

**ΑΠΑΝΤΗΣΕΙΣ ΒΙΟΛΟΓΙΑΣ ΠΡΟΣΑΝΑΤΟΛΙΣΜΟΥ
ΗΜΕΡΗΣΙΟΥ ΓΕΝΙΚΟΥ ΛΥΚΕΙΟΥ
ΠΑΝΕΛΛΑΔΙΚΕΣ ΕΞΕΤΑΣΕΙΣ 16/6/2021**

ΘΕΜΑ Α

A1. α

A2. γ

A3. δ

A4. β

A5. γ

ΘΕΜΑ Β

B1. 1 → A , 2 → Γ , 3 → B , 4 → A , 5 → Γ , 6 → B , 7 → A

B2. σελ.103: Η δρεπανοκυτταρική αναιμία.....γονιδίου β³.

B3. σελ.22: Μεταξύ των γονιδίων.....καινούργιες ιδιότητες.

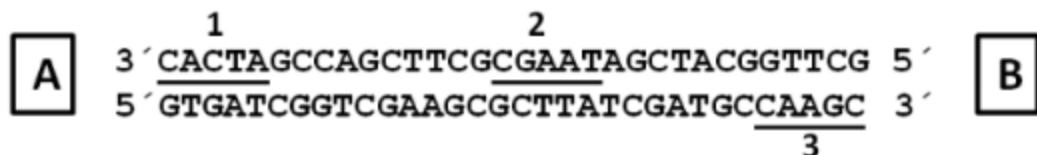
B4. NH₂-μεθειονίνη-λευκίνη-βαλίνη-αλανίνη-προλίνη-COOH

5'...AUGCUUGUCGCCCA(κωδικόνιο λήξης)...3'

Στο πεπτίδιο το αρχικό άκρο είναι το αιμινικό και σ' αυτό βρίσκεται αρχικά το αμινοξύ μεθειονίνη που κωδικοποιείται από το πρώτο κωδικόνιο στο 5'άκρο του mRNA το AUG. Στη συνέχεια ακολουθούν κατά σειρά η λευκίνη που κωδικοποιείται από το κωδικόνιο CUU, η βαλίνη που κωδικοποιείται από το κωδικόνιο GUC, η αλανίνη που κωδικοποιείται GCC και τέλος η προλίνη CCA που υπάρχει στο τελικό καρβοξυλικό άκρο του πεπτίδιου και κωδικοποιείται από το κωδικόνιο GGA. Η μετάφραση γίνεται στο ριβόσωμα όταν συνδεθεί το 5' αμετάφραστο άκρο του mRNA με το rRNA της μικρής υπομονάδας του ριβοσώματος. Η μετάφραση αρχίζει από το 5' προς το 3'άκρο του mRNA όταν το ριβόσωμα ξεκινώντας από το κωδικόνιο έναρξης AUG προχωρεί με βήμα τριπλέτας μέχρι να σταματήσει στο κωδικόνιο λήξης στο 3'άκρο. Απέναντι από κάθε κωδικόνιο του mRNA υπάρχει ένα αντικωδικόνιο tRNA σύμφωνα με τον κανόνα της συμπληρωματικότητας εκτός από το κωδικόνιο λήξης που δεν κωδικοποιεί αμινοξύ οπότε για το συγκεκριμένο κωδικόνιο δεν υπάρχει αντικωδικόνιο tRNA. Κάθε φορά που ένα μόριο tRNA εισέρχεται στην κατάλληλη εισδοχή του ριβοσώματος μεταφέροντας ένα αμινοξύ συνδέεται το αντικωδικόνιο του tRNA σύμφωνα με τον κανόνα της συμπληρωματικότητας (A→U, U→A, G→C και C→G) με το κωδικόνιο του mRNA με δεσμούς υδρογόνου. Πάνω στο ριβόσωμα στις δύο θέσεις εισδοχής μπορούν να βρίσκονται ταυτόχρονα δύο μόρια tRNA που έχουν μεταφέρει δύο αμινοξύ μεταξύ των οποίων δημιουργείται ένας πεπτιδικός δεσμός. Αμέσως μετά το tRNA που υπάρχει στη πρώτη θέση εισδοχής αποσυνδέεται από το ριβόσωμα και απελευθερώνεται στο κυτταρόπλασμα αφού σπάσουν οι δεσμοί υδρογόνου μεταξύ του αντικωδικού του και του αντίστοιχου κωδικού του ενώ στη δεύτερη θέση εισδοχής ετοιμάζεται να εισέλθει το επόμενο tRNA που μεταφέρει το επόμενο αμινοξύ. Η πολυπεπτιδική αλυσίδα αναπτύσσεται καθώς νέα tRNA μεταφέρουν αμινοξέα τα οποία συνδέονται μεταξύ τους. Σύμφωνα με τα παραπάνω όταν αποσυνδεθεί το tRNA που είχε μεταφέρει το αμινοξύ μεθειονίνη με αντικωδικόνιο 3'-UAC-5' πάνω στο ριβόσωμα υπάρχει στη πρώτη θέση εισδοχής το tRNA

που μετέφερε το αμινοξύ λευκίνη, οπότε στη δεύτερη θέση εισδοχής εισέρχεται το tRNA που μεταφέρει το αμινοξύ βαλίνη και διαθέτει το αντικωδικόνιο 3'-CAG-5'.

ΘΕΜΑ Γ



Εικόνα 1

Γ1. Θέση Έναρξης Αντιγραφής (ΘΕΑ): B

1° πρωταρχικό τμήμα ασυνεχούς αλυσίδας: 2 (5'GCUUA3')

Γ2. Τα κύρια ένζυμα που συμμετέχουν στην αντιγραφή του DNA ονομάζονται DNA πολυμεράσες.
Επειδή

τα ένζυμα αυτά δεν έχουν την ικανότητα να αρχίσουν την αντιγραφή, το κύτταρο έχει ένα ειδικό σύμπλοκο που αποτελείται από πολλά ένζυμα, το πριμόσωμα, το οποίο συνθέτει στις θέσεις έναρξης της αντιγραφής μικρά τμήματα RNA, συμπληρωματικά προς τις μητρικές αλυσίδες, τα οποία ονομάζονται πρωταρχικά τμήματα. DNA πολυμεράσες επιμηκύνουν τα πρωταρχικά τμήματα, τοποθετώντας συμπληρωματικά δεοξυριβονουκλεοτίδια απέναντι από τις μητρικές αλυσίδες του DNA. Οι DNA πολυμεράσες τοποθετούν συμπληρωματικά δεοξυριβονουκλεοτίδια απέναντι από τη μητρική αλυσίδα του DNA (μονόκλωνο καλούπι). Οι DNA πολυμεράσες λειτουργούν μόνο προς ορισμένη κατεύθυνση και τοποθετούν τα νουκλεοτίδια στο ελεύθερο 3'-άκρο της δεοξυριβόζης του τελευταίου νουκλεοτίδου κάθε αναπτυσσόμενης αλυσίδας. Τα νουκλεοτίδια κατά μήκος μιας νεοσυντιθέμενης αλυσίδας συνδέονται μεταξύ τους με 3'- 5'-φωσφοδιεστερικό δεσμό και κάθε νεοσυντιθέμενη αλυσίδα έχει προσανατολισμό 5' → 3'.

Στο τμήμα δίκλωνου DNA της Εικόνας 1 το πριμόσωμα τοποθετεί 6 ραδιενεργά ριβονουκλεοτίδια με U (1:5'GUGAU3', 2:5'GCUUA3', 3:5'GCUUG3') και η DNA πολυμεράση 13 ραδιενεργά δεοξυριβονουκλεοτίδια με G.

5'GUGAUCGGTCAAGCGCUUATCGATGCCAAGC3'

3'CACTAGCCAGCTTCGCGAATAGCTACGGTTCG5'

5'GTGATCGGTCAAGCGCTTATCGATGCCAAGC3'

3'CACTAGCCAGCTTCGCGAATAGCTACGGUUUCG5'

Γ3. Ταυτόχρονα DNA πολυμεράσες απομακρύνουν τα πρωταρχικά τμήματα RNA και τα αντικαθιστούν με τμήματα DNA. Οπότε θα αντικατασταθούν τα ραδιενεργά ριβονουκλεοτίδια της U με φυσιολογικέ δεοξυριβονουκλεοτίδια T και τα φυσιολογικά ριβονουκλεοτίδια της G με ραδιενεργά

δεοξυριβονουκλεοτίδια G. Τελικά στο δίκλωνο τμήμα DNA θα υπάρχουν 18 ραδιενεργά ριβονουκλεοτίδια με G.

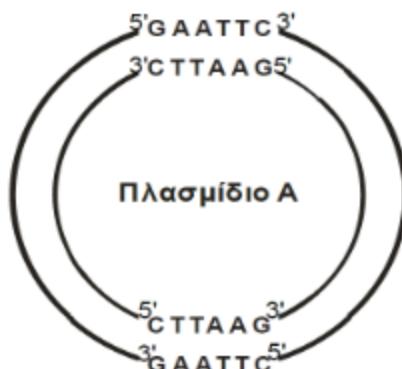
5'GTGATCGGTCGAAGCGCTTATCGATGCCAAGC3'

3'CACTAGCCAGCTTCGCGAATAAGCTACGGTCG5'

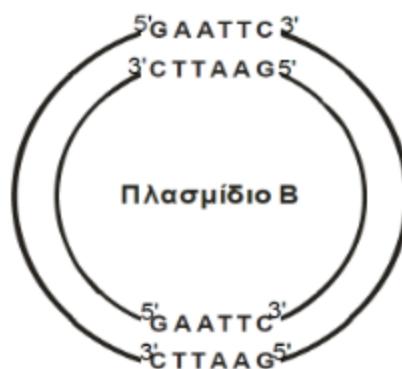
5'GTGATCGGTCGAAGCGCTTATCGATGCCAAGC3'

3'CACTAGCCAGCTTCGCGAATAAGCTACGGTCG5'

Γ4. σελ.61: Μία από τις περιοριστικές.....με το ίδιο ένζυμο. Τα πλασμίδια που χρησιμοποιούνται ως φορείς κλωνοποίησης έχουν τη συγκεκριμένη αλληλουχία μία μόνο φορά. Έτσι τα πλασμίδια κόβονται από την EcoRI σε αυτή τη θέση και δημιουργείται ένα γραμμικό μόριο DNA με μονόκλωνα άκρα.



Εικόνα 2



Κατά συνέπεια όπως φαίνεται στην Εικόνα 2 επειδή στο B η EcoRI αναγνωρίζει την ειδική αλληλουχία σε δύο θέσεις ενώ στο A σε μια θέση, κατάλληλος φορέας κλωνοποίησης είναι το πλασμίδιο A.

Γ5.

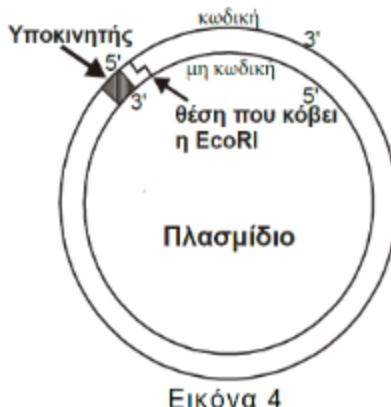
5'GAATTCATGTTTCACAAAGAGTGAATTC3' κωδική

3'CTTAAGTACAAAGTGTTCTCACTTAAG5' μη κωδικη

Εικόνα 3

Η μεταγραφή γίνεται με προσανατολισμό 5' → 3' οπότε η αλυσίδα του mRNA είναι αντιπαράλληλη με τη μη κωδική και προκύπτει όταν η RNA πολυμεράση ξεκινώντας από τον υποκινητή όπου έχει προσδεθεί μαζί με τους κατάλληλους μεταγραφικούς παράγοντες, ξετυλίγει τη διπλή έλικα και τοποθετεί τα ριβονουκλεοτίδια απέναντι από τα δεοξυριβονουκλεοτίδια του μη κωδικού κλώνου με βάση της συμπληρωματικότητας (A→U, T→A, G→C και C→G). Η θέση του υποκινητή (ΥΠΟΚ) είναι πάντα πριν την αρχή του γονιδίου όπως φαίνεται και στο τμήμα δίκλωνου DNA στην Εικόνα 3. Η μεταγραφή σταματάει στις αλληλουχίες λήξης της μεταγραφής που υπάρχουν στο τέλος του γονιδίου και το mRNA είναι το κινητό αντίγραφο της πληροφορίας του γονιδίου.

Ο κωδικός κλώνος ενός γονιδίου που μεταγράφεται σε mRNA πρέπει στο 5'άκρο να διαθέτει κωδικόνιο έναρξης ATG, στη συνέχεια βήμα τριπλέτας (γενετικός κώδικας τριπλέτας, συνεχής, μη επικαλυπτόμενος) και τέλος κωδικόνιο λήξης TAA ή TAG ή TGA στο 3'άκρο. Ο μη κωδικός (μεταγραφόμενος) κλώνος πρέπει στο 3'άκρο αντίστοιχα να διαθέτει τριπλέτα TAC, στη συνέχεια βήμα τριπλέτας και τέλος τριπλέτα ATT ή ATC ή ACT στο 5'άκρο.



Εικόνα 4

Τα δύο είδη DNA, του φορέα πλασμιδίου και του παραπάνω δίκλωνου τμήματος κόβονται με την ίδια περιοριστική ενδονουκλεάση EcoRI, στη συνέχεια αναμιγνύονται και επειδή έχουν συμπληρωματικά άκρα, ενώνονται μεταξύ τους με τη μεσολάβηση ενός ενζύμου, της DNA δεσμάση. Το ανασυνδυασμένο DNA που προκύπτει με την ενσωμάτωση του δίκλωνου DNA μετά τη θέση του υποκινητή του φορέα κλωνοποίησης όπως φαίνεται στην Εικόνα 4 μπορεί να είναι:

5'GGGGGAATTCATGTTCACAAAGAGTGAATTCGGGG3' κωδικη
3'CCCCCTTAAGTACAAAGTGTTCTCACTTAAGCCCC5' μη κωδικη
----->

κατευθυνση μεταγραφής

σωστός τρόπος σύνδεσης γιατί συμπίπτει ο προσανατολισμός της μεταγραφής του δίκλωνου τμήματος με αυτό του υποκινητή του φορέα κλωνοποίησης
ή
(αναποδη ενσωματωση)

5'GGGGGAATTCCACTCTTGTGAAACATGAATT~~CGGGG~~3' κωδικη
3'CCCCCTTAAGGTGAGAAACACTTT~~GT~~ACTTAAGCCCC5' μη κωδικη
----->

κατευθυνση μεταγραφής

λάθος τρόπος σύνδεσης γιατί δεν συμπίπτει ο προσανατολισμός της μεταγραφής του δίκλωνου τμήματος με αυτό του υποκινητή του φορέα κλωνοποίησης και δεν βρίσκουμε στον κωδικό κλώνο μετά το 5'άκρο κωδικόνιο έναρξης ATG, στη συνέχεια βήμα τριπλέτας (γενετικός κώδικας τριπλέτας, συνεχής, μη επικαλυπτόμενος) και τέλος κωδικόνιο λήξης TAA ή TAG ή TGA στο 3'άκρο.

Ο καταλληλότερος ανιχνευτής μπορεί να είναι RNA ή DNA, και θα πρέπει να είναι συμπληρωματικός και αντιπαράλληλος με την αντίστοιχη αλληλουχία των κωδικονίων των αμινοξέων ή των τριπλετών του μη κωδικού κλώνου που αφορούν την περιοχή που περιλαμβάνει το κωδικόνιο έναρξης και την αρχική αλληλουχία βάσεων μετά τον υποκινητή στο σημείο που ενσωματώθηκε στο τμήμα. Συνεπώς, ο ανιχνευτής με την αλληλουχία 14 βάσεων μπορεί να είναι: 5'GGGGGAATTCATGT3' (ή 5' GGGGGAAUUCAUGU3') και υβριδοποιεί τη μη κωδική αλυσίδα του γονιδίου, ενώ σωστή επιλογή είναι και η αλληλουχία 3'CCCCCTTAAGTACA5' (ή 3' CCCCCTTAAGTACA5') που υβριδοποιεί την κωδική.

ΘΕΜΑ Δ

Δ1. Ο Κωστας εχει γονοτυπο Αα οπως και η Ελενη Αα δεδομενου οτι εχουν υγιη φαινοτυπο και προερχοται απο ασθενεις γονεις

Ο Niko εχει γονοτυπο αα

Ο Κωστας εχει μεταβιβασει στον Niko ενα α αλληλομορφο και το Y φυλετικο, τα οποια και τα 2 προερχονται απο τον πατερα του Κωστα (παππους 1, ο οποιος πασχει αα. Το α μικρο δεν μπορει να προερχεται απο τη γιαγια 1 αφου τοτε δεν θα προεκυπτε υγιης ο Κωστας δεδομενου οτι ο παππους 1 και η γιαγια 1 εχουν γονοτυπο αα και Αα αντιστοιχα)

Αρα ο ελαχιστος αριθμος χρωμοσωματων που εχει κοινα ο Niko με τον παππου 1 ειναι 2 και ο μεγιστος 23
(αναφορα στον τυχαιο συνδυασμο των χρωμοσωματων κατα τη μεταφαση I)

Δ2. Σε καθε γονεα, καθε χρωμοσωμα εχει διαφορετικη προελευση αρα διαφορετικη αλληλουχια βασεων. Αφου προκυπτει απογονος (Maria) με DOWN και τρεις διαφορετικες αλληλουχιες του χρωμοσωματος 21 σημαινει οτι εχει προκυψει απο τη γονιμοποιηση ενος τρισωμικου γαμετη που εχει προκυψει απο λαθος στη μειωση I του ενος γονεα. Αν το λαθος ηταν στη μειωση II(μη διαχωρισμος AX) τοτε τα 2 απο τα 3 χρωμοσωματα του απογονου θα ηταν πανομοιοτυπα δεδομενου οτι ο AX ειναι δυο πανομοιοτυπα μορια (δεν λαμβανεται υποψη η περιπτωση επιχιασμου). Αρα το λαθος εχει συμβει στη μειωση 1 του ενος γονεα και ετσι προκυπτει τρισωμικος γαμετης με συσταση 21A21a. Αυτος γονιμοποιεται με ενα φυσιολογικο γαμετη του αλλου γαμετη, συσταση ειτε A ειτε a.

Αρα η συσταση του απογονου θα ειναι ειναι Aaa ειτε AAa αρα ειναι αδυνατο να πασχει.

Δ3.

Το μεγεθος των κεραιων κληρονομεται με φυλοσυνδετο τροπο, και το αλληλομορφο ελεγχει τις μικρες ειναι το επικρατεις

Τα φτερα κληρονομουνται με αυτοσωμικο τροπο, με το αλληλομορφο που ελεγχει το κανονικο να ειναι το επικρατεις

Δ4.

Αρχικα παρατηρειται ιδιος αριθμος αρσενικων προς θηλυκους απογονους (ανεξαρτητως φαινοτυπου) στη F2 αρα δεν εμπλεκεται καποιο φυλοσυνδετο θνησιγονο αλληλομορφο

Δεδομενου οτι ισχυει ο 2ος νομος μελετω ξεχωριστα καθε ιδιοτητα

Φτερα:

ΦΑ στη F2 300 θηλυκα με κανονικα : 100 θηλυκα με ατροφικα
 300 αρσενικα με κανονικα : 100 αρσενικα με ατροφικα

παρατηρω ιδια ΦΑ 3:1 και στα 2 φυλα, αρα ο τροπος κληρονομησης ειναι αυτοσωμικος και τα κανονικα (K) επικρατουν των ατροφικων (κ). Αρα τα ατομα της F1 ειναι ετεροζυγα Kk και για να ειναι ολα ετεροζυγα (αν δεν ήταν θα υπηρχε αποκλιση απο την 3:1 στη F2) θα πρεπει τα ατομα της πατρικης να ειναι ομοζυγα, και διαφορετικου φαινοτυπου, δηλαδη το ενα να εχει φαινοτυπο κανονικα φτερα και γονοτυπο KK και το αλλο ατροφικα γονοτυπου kk

Κεραιες:

ΦΑ στη F2 800 θηλυκα με μικρες κεραιες
 400 αρσενικα με μικρες και 400 με μεγαλες

παρατηρω διαφορετικη ΦΑ στα 2 φυλα αρα ο τροπος κληρονομησης ειναι φυλοσυνδετος. Αφου οι μικρες εμφανιζονται σε τριπλασια συχνοτητα απο τις μεγαλες ειναι η επικρατης μορφη του χαρακτηρα ενω οι μεγαλες οι υπολοιπομενη αρα X^M =μικρες > X^m =μεγαλες

Για να προκυπτουν αρσενικα και με μικρες και με μεγαλες σημαινει οτι τα θηλυκα της F1 ειναι ετεροζυγα αρα γονοτυπου X^MX^m ενω τα αρσενικα της F1 εχουν μικρες πτερυγες (απορριππεται το ενδεχομενο να εχουν μεγαλοες γιατι τοτε στη F2 θα προεκυπταν και θηλυκα με μεγαλες) αρα εχουν γονοτυπο X^MX^m

Αναλογα τα ατομα της πατρικης δεδομενου οτι τα ατομα της F1 εχουν τους παραπανω μοναδικους γονοτυπους εχουν γονοτυπους X^MX^M και X^mY

Αρα συνολικα οι γονοτυποι των ατομων της πρωτης θυγατρικης γενιας και της πατρικης ειναι:
Οι γονοτυποι των ατομων της πρωτης θυγατρικης ειναι:

X^MX^m Kk X X^MY Kk (X^M =μικρες > X^m =μεγαλες, K=κανονικες>k=ατροφικες)

Οι γονοτύποι των ατόμων της πατρικής είναι:

X^MX^M KK X X^uY KK

ή

X^MX^M KK X X^uY KK

ΥΓ: μπορει να γίνει η διασταυρωση διυβριδισμου της F1 και να δειχτει ότι προκυπτει η ΦΑ της εκφωνησης – επαληθευση της σωστης συλλογικης του μαθητη.

επιμέλεια: ΒΛΑΣΗΣ ΚΟΥΒΑΤΣΗΣ Δρ. ΒΙΟΛΟΓΟΣ